

TcRBP: UNA NUEVA PROTEÍNA DE UNIÓN AL ARN DE *Trypanosoma cruzi*

Pérez, L.^{1,2}, Duhagon, M.A.², Robello, C.³ y Garat, B.²

¹ *Biología Molecular Vegetal*

² *Laboratorio de Interacciones Moleculares. Facultad de Ciencias. UdelaR*

³ *Departamento de Bioquímica, Facultad de Medicina, UdelaR*

A diferencia de los eucariotas superiores, en los tripanosomas la regulación de la expresión génica ocurre principalmente a nivel post-transcripcional. El ciclo de vida de *Trypanosoma cruzi* involucra diferentes estadios y transcurre a través de dos huéspedes lo que implica que la expresión proteica debe estar estrictamente regulada para permitir una rápida adaptación. Nuestro grupo se interesa en la identificación de factores implicados en este tipo de regulación. A partir de ADNc de epimastigotas, se obtuvo una secuencia parcial que contenía un dominio de unión a ARN conservado del tipo RRM. Para completar la secuencia, se realizaron ensayos de RT-PCR, subclonado, hibridación en gota (dot-blot) y secuenciación. Por otra parte, para la obtención de la secuencia genómica se hizo uso de fagos recombinantes obtenidos de una biblioteca genómica en λEMBL3 y se realizaron ensayos de Southern blot y secuenciación. En base a estos datos, se identificó una secuencia que codifica para una proteína de 191 amino ácidos, con un peso molecular estimado de 21kDa. El dominio RRM presenta los dos submotivos característicos de proteínas de unión al ARN, RNP1 y RNP2. Se resalta además, la existencia de un dominio tipo "dedo de Zinc" (knuckle motif) CX₂₋₅CX₄₋₁₂C/HX₂₋₄C/H en el extremo carboxi terminal.